

一株转化白藜芦醇苷虎杖内生真菌的筛选和鉴定

刘华金^{1,2} 易有金^{1,2} 杨建奎³ 钟英丽⁴ 陈 雪^{1,2} 唐 玲^{1,2}

(¹湖南农业大学食品科学技术学院, 长沙 410128; ²湖南省食品科学与生物技术重点实验室, 长沙 410128;

³ 湖南农业大学理学院, 长沙 410128; ⁴湖南农业大学生物科学技术学院, 长沙 410128)

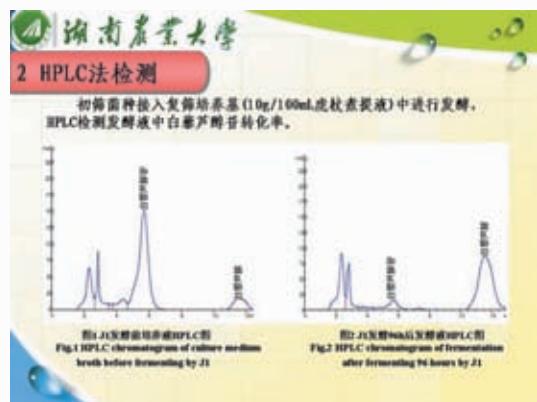
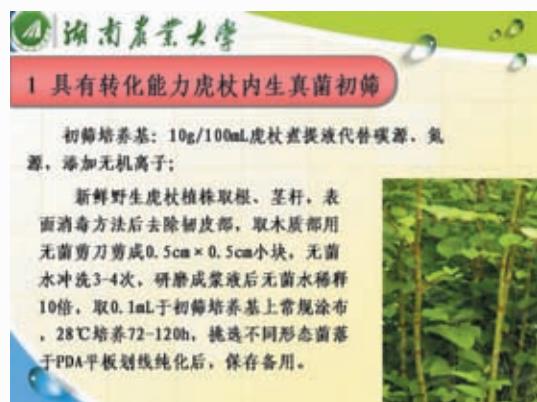


Table 1 Resveratrol conversion capacity by HPLC of the endophytic fungus strains J1, J2, J3, J4, J5, J6

内生真菌	白藜芦醇质量浓度 / (μg/mL)	白藜芦醇苷质量浓度 / (μg/mL)	转化率/%
空白对照	58.4096	5.3146	-
J1	27.1617	14.0675	25.6
J2	36.4152	6.5033	3.5
J3	30.6673	10.6033	15.5
J4	41.4551	6.0153	2.1
J5	35.4532	7.2332	5.6
J6	31.5148	8.1634	8.4

湖南农业大学

- 根据峰面积计算发酵液中白藜芦醇转化率，结果见表1。表明6株初筛菌株均对白藜芦醇有不同程度转化能力，其中J1转化率最高；
- 比较图1、图2可知，虎杖根提取液经内生真菌J1发酵后，保留时间5.07min白藜芦醇的吸收峰面积明显减小，保留时间11.094min白藜芦醇的吸收峰面积明显增加，说明内生真菌J1能有效转化虎杖根提取液中白藜芦醇为目标物白藜芦醇。

$$\text{转化率} = \frac{\text{发酵前白藜芦醇总摩尔数}}{\text{白藜芦醇总摩尔数}} \times 100\%$$

湖南农业大学

3.2.2 ITS-5.8S rDNA序列分析

全长571bp，该序列在GenBank数据库登录号为HQ732137。将序列输入生物技术信息网页(<http://www.ncbi.nlm.nih.gov/BLAST>)进行同源性比对，结果表明：内生真菌J1与草酸青霉Penicillium oxalicum (FJ977097.1)同源性最高，相似性分别为99%。

3.2.3 系统发育分析和系统发育树的构建

在GenBank中索取同源性高的相似菌株13株，用MEGA4软件进行序列分析，采用N-J法绘制系统发育树(见图7)。

菌种鉴定结果：结合形态学和分子生物学特征结果，确定内生真菌J1为草酸青霉Penicillium oxalicum。

湖南农业大学

3 转化力最强菌株J1菌种鉴定

J1菌种鉴定

形态学鉴定 分子生物学鉴定

湖南农业大学

Fig.7 Phylogenetic tree of J1 and other related strains

The phylogenetic tree shows the relationship between J1 and various Penicillium species. J1 is shown as a red square node. Other nodes are blue squares with corresponding GenBank accession numbers. The tree is rooted at the bottom right.

湖南农业大学

3.1 内生真菌J1形态学鉴定结果

• 显微镜下观察J1菌丝细长，交织分布，有隔膜，分生孢子梗光滑，单枝状单轮生或双轮生，小梗4-6个轮生，分生孢子链状分布，圆形，见图4；

• 根据内生真菌J1菌落、菌丝和分生孢子形态特征，初步鉴定内生真菌J1为青霉属草酸青霉(*Penicillium oxalicum*)；

Fig.3 Colour morphology of J1 on PDA

Fig.4 J1 spore ultrastructure (1000×)

湖南农业大学

讨论及展望

本研究从野生虎杖茎中初筛得到6株内生真菌，HPLC法检测表明6株内生真菌均具有转化白藜芦醇能力，其中J1转化力最强，转化后发酵液中白藜芦醇含量达14.068 μg/mL，为未发酵液的2.65倍。

利用植物内生真菌发酵转化与植物所产相同或相似的生理活性物质，比直接化学提取法原材料利用率高，与有机合成法相比，反应条件温和，发酵条件简单，易控制，环境污染小。但分离得到的内生真菌J1为野生型菌株，目前转化率为25.6%，需要通过诱变育种、发酵条件优化等提高其转化率，为进一步微生物发酵提高虎杖中白藜芦醇得率提供技术支持。

湖南农业大学

3.2 内生真菌J1分子生物学鉴定

3.2.1 基因组DNA提取与ITS-5.8S rDNA扩增

• SDS法提取J1菌株基因组DNA，经电泳检测见图5；

• 选择通用引物ITS 1: 5'-TCCGTAGGTGAACTCTGGG-3'，ITS 4: 5'-TCCTCCGCTTATTGATATGC-3'进行PCR扩增，得到约600bp的PCR扩增产物，电泳图见图6；

Fig.5 Electrophoresis of genomic DNA of J1

Fig.6 Electrophoresis of PCR amplified products from ITS-5.8S rDNA of J1

湖南农业大学

谢谢！